



pShaKit 载体

目录

1. 载体介绍	1
2. pShaKit 载体图谱	1
3. 储存条件	1
4. 订购信息	1
5. 相关产品	2
6. 附件	2

1. 载体介绍

pShaKit 是适用于大肠杆菌重组蛋白表达的专用载体, 以 pET28a 为骨架改造而成, 在读码框内引入 Flag-HA-Sumo 多标签序列。该载体内置 EGFP 荧光蛋白表达元件, 可作为摇摇乐大肠杆菌表达与纯化试剂盒配套对照质粒, 用于验证重组蛋白表达、纯化完整实验体系的可行性。质粒基础参数详见表 1, 完整序列详见附件。

pShaKit 载体包含两款线性化双酶切载体:pShaKit-BamH I /Xho I 与 pShaKit-BamH I /HindIII。其中 pShaKit-BamH I /Xho I 经 BamH I、Xho I 双酶切后胶回收制备得到, 载体保留 His 标签序列; pShaKit-BamH I /Hind III由 BamH I、HindIII双酶切后胶回收获得, 载体保留 Strep 标签序列。

表 1: pShaKit 载体信息

载体名称	pShaKit
载体类型	原核表达载体
抗性	卡那霉素抗性 (Kanamycin R+)
酶切位点	BamH I、Xho I、Hind III
插入序列	EGFP 基因序列
测序引物	正向引物, pShaKit-Fseq: GATGGAAGCGTTTGCAAAGC; 反向引物, T7-Ter: GCTAGTTATTGCTCAGCGG

2. pShaKit 载体图谱

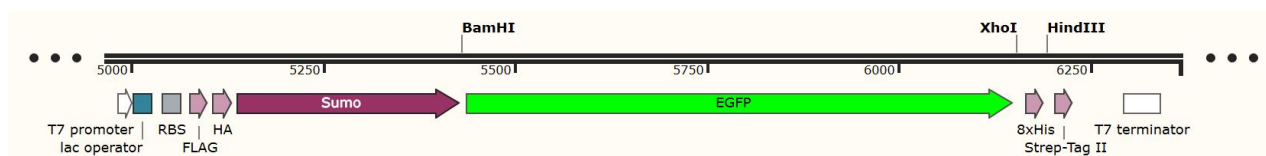


图 1. pShaKit 载体图谱示意图

3. 存储条件

冰袋运输, -20℃保存, 有效期 2 年, 长期不用, 置于-80℃保存, 避免反复冻融。

4. 订购信息

名称	货号	规格
pShaKit	BR0152-01	10 µg
	BR0152-02	50 µg
pShaKit-BamH I /Xho I	BR0155-01	10 µg
	BR0155-02	100 µg
pShaKit-BamH I /HindIII	BR0156-01	10 µg
	BR0156-02	100 µg



5. 相关产品

名称	货号	规格
摇摇乐™ 大肠杆菌蛋白表达与纯化试剂盒	BK0077-01	10 T
	BK0077-02	50 T
铁锤超级裂菌液	BR0005-01	10 ml
	BR0005-02	100 ml
	BR0005-03	1 L
	BR0005-04	2 ml
Anti-HA Magrose Beads	MA0701-01	1 ml
	MA0701-02	5 ml
	MA0701-03	25 ml
Ulpase	BR0153-01	60 µl
	BR0153-02	300 µl
DNA Assembly Cloning Kit	BK0024-01	50 rxn

6. 附件

TGGCGAATGGGACGCGCCCTGTAGCGGCGCATTAAAGCGCGGCGGGTGTGGTGGTTACGCGCAGCGTGACC
GCTACACTTGCCAGCGCCCTAGCGCCCGCTCCTTTCGCTTTCCTCCCTTCCTTTCGCGCCACGTTGCGCGGC
TTTCCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCCTTTAGGGTTCCGATTTAGTGCTTTACGGCACCTCGACCCCA
AAAACTTGATTAGGGTGATGGTTCACGTAGTGGGCCATCGCCCTGATAGACGGTTTTTCGCCCTTTGACGTT
GGAGTCCACGTTCTTTAATAGTGGACTCTTGTTCCAACTGGAACAACACTCAACCCTATCTCGGTCTATTCTT
TTGATTTATAAGGGATTTTGCCGATTTGCGCCTATTGGTTAAAAATGAGCTGATTTAACAAAAATTTAACGCGAA
TTTTAACAAAAATTAACGTTTACAATTTACAGGTGGCACTTTTCGGGGAAATGTGCGCGGAACCCCTATTTGTTT
ATTTTTCTAAATACATTCAAATATGTATCCGCTCATGAATTAATTCCTAGAAAACTCATCGAGCATCAAATGAAAC
TGCAATTTATTCATATCAGGATTATCAATACCATATTTTTGAAAAAGCCGTTTCTGTAATGAAGGAGAAAACTCAC
CGAGGCAGTTCCATAGGATGGCAAGATCCTGGTATCGGTCTGCGATTCCGACTCGTCCAACATCAATACAACC
TATTAATTTCCCCTCGTCAAAAAATAAGGTTATCAAGTGAGAAATCACCATGAGTGACGACTGAATCCGGTGAGA
ATGGCAAAAGTTTATGCATTTCTTCCAGACTTGTTCAACAGGCCAGCCATTACGCTCGTCATCAAATCACTC
GCATCAACCAAACCGTTATTCATTGCTGATTGCGCCTGAGCGAGACGAAATACGCGATCGCTGTTAAAAGGAC
AATTACAAACAGGAATCGAATGCAACCGGCGCAGGAACACTGCCAGCGCATCAACAATATTTTACCTGAATC
AGGATATTCTTCTAATACCTGGAATGCTGTTTTCCCGGGGATCGCAGTGGTGAGTAACCATGCATCATCAGGAG
TACGGATAAAATGCTTGATGGTCGGAAGAGGCATAAATCCGTGAGCCAGTTTAGTCTGACCATCTCATCTGTA
ACATCATTGGCAACGCTACCTTTGCCATGTTTCAGAAACAACCTCTGGCGCATCGGGCTTCCCATAACAATCGATA
GATTGTGCGCACCTGATTGCCCCGACATTATCGCGAGCCCATTTATACCCATATAAATCAGCATCCATGTTGGAATT
TAATCGCGGCCTAGAGCAAGACGTTTCCCGTTGAATATGGCTCATAACACCCCTTGATTACTGTTTATGTAAGC
AGACAGTTTTATTGTTTCATGACCAAAATCCCTTAACGTGAGTTTTCGTTCCACTGAGCGTCAGACCCCGTAGAA
AAGATCAAAGGATCTTCTTGAGATCCTTTTTTCTGCGCGTAATCTGCTGCTTGCAAACAAAAAACCACCGCT
ACCAGCGGTGGTTTGTGTTGCCGGATCAAGAGCTACCAACTCTTTTTCCGAAGGTAACCTGGCTTCAGCAGAGC
GCAGATACCAAATACTGTCCTTCTAGTGTAGCCGTAGTTAGGCCACCACTTCAAGAACTCTGTAGCACCGCCTA



CATACCTCGCTCTGCTAATCCTGTTACCACTGGCTGCTGCCAGTGCGGATAAGTCGTGTCTTACCGGGTTGGA
CTCAAGACGATAGTTACCGGATAAGGCGCAGCGGTCTGGGCTGAACGGGGGGTTCGTGCACACAGCCCAGCT
TGGAGCGAACGACCTACACCGAACTGAGATACCTACAGCGTGAGCTATGAGAAAGCGCCACGCTTCCCGAAG
GGAGAAAGGCGGACAGGTATCCGGTAAGCGGCAGGGTCGGAACAGGAGAGCGCACGAGGGAGCTTCCAG
GGGGAAACGCCTGGTATCTTTATAGTCCTGTCTGGGTTTCGCCACCTCTGACTTGAGCGTCGATTTTTGTGATG
CTCGTCAGGGGGGCGGAGCCTATGGAAAAACGCCAGCAACGCGGCCCTTTTACGGTTCCTGGCCTTTTGT
GGCCTTTTGTCTACATGTTCTTTCTGCGTTATCCCCTGATTCTGTGGATAACCGTATTACCGCCTTTGAGTGA
GCTGATACCGCTCGCCGCAGCCGAACGACCGAGCGCAGCGAGTCAGTGAGCGAGGAAGCGGAAGAGCGC
CTGATGCGGTATTTTCTCCTTACGCATCTGTGCGGTATTTACACCGCATATATGGTGCACTCTCAGTACAATCT
GCTCTGATGCCGCATAGTTAAGCCAGTATACACTCCGCTATCGCTACGTGACTGGGTCATGGCTGCGCCCCGA
CACCCGCCAACACCCGCTGACGCGCCCTGACGGGCTTGTCTGCTCCCGGCATCCGCTTACAGACAAGCTGT
GACCGTCTCCGGGAGCTGCATGTGTGACAGAGTTTTACCGTCATCACCGAAACGCGCGAGGCAGCTGCGGT
AAAGCTCATCAGCGTGGTCGTGAAGCGATTACAGATGTCTGCCTGTTTCATCCGCGTCCAGCTCGTTGAGTTT
CTCCAGAAGCGTTAATGTCTGGCTTCTGATAAAGCGGGCCATGTTAAGGGCGGTTTTTCTGTTTGGTCACT
GATGCCTCCGTGTAAGGGGGATTTCTGTTTCATGGGGGTAATGATACCGATGAAACGAGAGAGGATGCTCACGA
TACGGGTACTGATGATGAACATGCCCCGTTACTGGAACGTTGTGAGGGTAAACAACCTGGCGGTATGGATGCG
GCGGGACCAGAGAAAAATCACTCAGGGTCAATGCCAGCGCTTCGTTAATACAGATGTAGGTGTTCCACAGGG
TAGCCAGCAGCATCCTGCGATGCAGATCCGGAACATAATGGTGACGGGCGCTGACTTCCGCGTTTTCCAGACT
TTACGAAACACGGAACCGAAGACCATTTCATGTTGTTGCTCAGGTGCGAGACGTTTTGCAGCAGCAGTCGCT
TCACGTTTCGCTCGCGTATCGGTGATTCATTCTGCTAACAGTAAGGCAACCCCGCCAGCCTAGCCGGGTCT
CAACGACAGGAGCACGATCATGCGCACCCGTGGGGCCGCCATGCCGGCGATAATGGCCTGCTTCTCGCCGA
AACGTTTGGTGGCGGGACCACTGACGAAGGCTTGAGCGAGGGCGTGCAAGATTCCGAATACCGCAAGCGAC
AGGCCGATCATCGTCGCGCTCCAGCGAAAGCGGTCCTCGCCGAAAATGACCCAGAGCGCTGCCGGCACCT
GTCCTACGAGTTGCATGATAAAGAAGACAGTCATAAGTGCGGCGACGATAGTCATGCCCCGCGCCACCGGA
AGGAGCTGACTGGGTGAAGGCTCTCAAGGGCATCGGTGAGATCCCGGTGCCTAATGAGTGAGCTAACTTA
CATTAAATTGCGTTGCGCTCACTGCCCCGTTTCCAGTCGGGAAACCTGTCGTGCCAGCTGCATTAATGAATCGG
CCAACGCGCGGGGAGAGGCGGTTTTGCGTATTGGGCGCCAGGGTGGTTTTTCTTTTACCACTGAGACGGGC
AACAGCTGATTGCCCTTACCCGCTGGCCCTGAGAGAGTTGCAGCAAGCGGTCCACGCTGGTTTGCCCCAG
CAGGCGAAAATCCTGTTTGATGGTGGTTAACGGCGGGATATAACATGAGCTGTCTTCGGTATCGTCGTATCCC
ACTACCGAGATATCCGCACCAACGCGCAGCCCGGACTCGGTAATGGCGCGCATTGCGCCAGCGCCATCTG
ATCGTTGGCAACCAGCATCGCAGTGGAACGATGCCCTCATTGAGCATTTGCATGGTTTGTGAAAACCGGAC
ATGGCACTCCAGTCGCCTTCCCGTTCGCTATCGGCTGAATTTGATTGCGAGTGAGATATTTATGCCAGCCAG
CCAGACGCAGACGCGCCGAGACAGAACTTAATGGGCCCCGCTAACAGCGCGATTTGCTGGTGACCCAATGCG
ACCAGATGCTCCACGCCCAGTCGCGTACCGTCTTCATGGGAGAAAATAATACTGTTGATGGGTGTCTGGTCAG
AGACATCAAGAAATAACGCCGGAACATTAGTGCAGGCAGCTTCCACAGCAATGGCATCCTGGTCATCCAGCG



GATAGTTAATGATCAGCCCACTGACGCGTTGCGCGAGAAGATTGTGCACCGCCGCTTTACAGGCTTCGACGC
CGCTTCGTTCTACCATCGACACCACCACGCTGGCACCCAGTTGATCGGCGCGAGATTTAATCGCCGCGACAA
TTTGCGACGGCGCGTGCAGGGCCAGACTGGAGGTGGCAACGCCAATCAGCAACGACTGTTTGCCCGCCAG
TTGTTGTGCCACGCGGTTGGGAATGTAATTCAGCTCCGCCATCGCCGCTTCCACTTTTTCCCGCGTTTTTCGCA
GAAACGTGGCTGGCCTGGTTCACCACGCGGGAAACGGTCTGATAAGAGACACCGGCATACTCTGCGACATC
GTATAACGTTACTGGTTTCACATTACCAACCCTGAATTGACTCTCTTCCGGGCGCTATCATGCCATACCGCGAA
AGGTTTTGCGCCATTGATGGTGTCCGGGATCTCGACGCTCTCCCTTATGCGACTCCTGCATTAGGAAGCAG
CCCAGTAGTAGGTTGAGGCCGTTGAGCACCGCCGCCGCAAGGAATGGTGCATGCAAGGAGATGGCGCCCAA
CAGTCCCCCGGCCACGGGGCCTGCCACCATACCACGCCGAAACAAGCGCTCATGAGCCCGAAGTGGCGA
GCCCCGATCTTCCCCATCGGTGATGTGCGGCATATAGGCGCCAGCAACCGCACCTGTGGCGCCGGTGATGCC
GGCCACGATGCGTCCGGCGTAGAGGATCGAGATCTCGATCCCGCGAAATTAATACGACTCACTATAGGGGAAT
TGTGAGCGGATAACAATCCCCTCTAGAAATAATTTGTTAACTTTAAGAAGGAGATATACCATGGGAGATTATA
AAGATGATGACGACAAGGGTGGTTATCCGTACGATGTTCCGGATTATGCGGGTGGTTCTGACAGCGAAGTCAA
CCAGGAGGCGAAGCCGGAGGTGAAGCCGGAGGTAAAACCAGAGACACATATTAACCTGAAAGTTAGCGATG
GCTCTTCCGAGATCTTCTTCAAAATCAAGAAAACCACGCCGTTGAGACGTCTGATGGAAGCGTTTGCAAAGC
GCCAGGGTAAGGAGATGGATTCCCTGCGTTTTCTGTACGACGGCATCCGCATTAGGCTGACCAAACCCCGG
AGGACCTGGACATGGAGGACAACGATATTATCGAGGCGCATCGTGAACAAATTGGTGGTGGATCCGTGTCTAA
GGGTGAAGAACTTTTTACCGGCGTTGTTCCGATCCTGGTCAATTAGATGGCGACGTTAACGGTCACAAATTC
AGCGTGTCCGGCGAGGGTGAGGGCGATGCAACCTACGGCAAACCTGACCCTCAAGTTCATTTGTACCACTGGT
AACTGCCAGTTCCGTGGCCTACGCTCGTGACCACCTTGACGTACGGGGTGCAAGTGTCTTTAGCCGTTATCCG
GACCACATGAAACAACATGACTTCTTCAAAAGCGCTATGCCGGAGGGTTACGTGCAAGAACGTACGATTTTTT
TCAAGGACGACGGCAATTACAAGACGCGTGCCGAAGTCAAGTTCGAAGGTGATACCCTGGTTAACCGCATCG
AGTTGAAGGGCATTGATTTCAAGGAGGACGGCAACATCTTGGGTACAAATTGGAATATAACTATAATAGCCAC
AACGTGTATATCATGGCTGACAAACAAAAAACGGCATTAAAGTGAACTTTAAGATCCGTCATAATATTGAAGAC
GGCAGCGTTCAGCTGGCGGACCACTACCAGCAGAATACCCCGATCGGCGATGGTCCGGTTCTGCTGCCGGA
TAATCATTATCTGTGACCCAAAGCGCCCTGAGCAAAGATCCGAATGAAAAACGCGATCACATGGTATTGCTGG
AATTTGTAACCGCGGCAGGTATCACCTGGGTATGGATGAACTGTACAAGTAACTCGAGGGTGGTCACCACCA
CCACCACCACCACCACTAAAAGCTTGGTGGTTGGAGCCACCCGCGAGTTCGAAAAATAAGATCCGGCTGCTAA
CAAAGCCCGAAAGGAAGCTGAGTTGGCTGCTGCCACCGCTGAGCAATAACTAGCATAACCCCTTGGGGCCTC
TAAACGGGTCTTGAGGGGTTTTTTGCTGAAAGGAGGAACTATATCCGGAT